

1210 1220 1230 1240 1250 1260 1270 1280 1290 1300 1310 1320 1330 1340 1350 1360 1370 1380 1390 14

6755805.m MSEKEARSITMQIVNALKYLNIEIKPPIIHYDLKPQNILLVNGTACGEIKITDFLSKIMDDDSYNGVDCMELTSQGAGTYYLPEECFVVKCEPPKISNKVDVSVIVIFYQCLYGRK
 25025431.m MSEKEARSIIMOIVNALKYLNIEIKPPIIHYDLKPQNILLVNGTACGEIKITDFLSKIMDDDSYNGVDCMELTSQGAGTYYLPEECFVVKCEPPKISNKVDVSVIVIFYQCLYGRK
 TLK2 MSEKEARSIIMOIVNALKYLNIEIKPPIIHYDLKPQNILLVNGTACGEIKITDFLSKIMDDDSYNGVDCMELTSQGAGTYYLPEECFVVKCEPPKISNKVDVSVIVIFYQCLYGRK
 27369956.m MSEKEARSIIMOIVNALRYLNIEIKPPIIHYDLKPQNILLVNGTACGEIKITDFLSKIMDDDSYNGVDCMELTSQGAGTYYLPEECFVVKCEPPKISNKVDVSVIVIFYQCLYGRK
 TLK1 MSEKEARSIIMOIVNALRYLNIEIKPPIIHYDLKPQNILLVNGTACGEIKITDFLSKIMDDDSYNGVDCMELTSQGAGTYYLPEECFVVKCEPPKISNKVDVSVIVIFYQCLYGRK
 C07A9.3.AA MSEKEARSIIMOIVNALRYLNIEIKPPIIHYDLKPQNILLVNGTACGEIKITDFLSKIMDDDSYNGVDCMELTSQGAGTYYLPEECFVVKCEPPKISNKVDVSVIVIFYQCLYGRK
 113r_E FXEYHAFYAAQIVLTFEYIHSIDLIYRDQKPNLLIDQOGLIQVTDFFAKVGRWVXLCIPSILAEFLSKGDNKAVADALQVLHYEAAATYP
 ninaC.AA INMREVN-SSQIGPLPEVFKKMPFLRDQIPFYDQYGMVDPANSKSRAQFNQLTQMEDDEWDSPQRNMSMTSCALTINAYKEGAQCCTNDRMGESENINYNOYFRDPQOLRNPQMMNAYNNAYNSYNVNNQNWGVHRSGSRRNLKCYAAPPPPPPMPMSNNYRNPNQQRNYQQRSSYPPSDPVR
 kin-28.AA LEPIDKRHEMLLQAWLEYIHGXPKMLRDIAARNCLYGDKCVCQOKDVAYCILCWEIFNNGAEPYGLYANSAKQVJDGYRMPPHICAAEVQALMTRCAEN
 egl-15.AA ITOPLVQFAWVQCNNTASKLIRRDIARANVILVDCD-HVWKISDFQISRFVHQNDYYKRGNGRLPTKWMALDEALDSNVYTVBSDVSIQVLLWEMTLGG-TPYPTIAMPELYANLKEGURMEPPHICPQEIVHLMCSQREXLEERPSFKT

1410 1420 1430 1440 1450 1460 1470 1480 1490 1500 1510 1520 1530

6755805.m KEDRIDVQQLACDPYLIPHIRKSVSTSSPAGAAIASTSGAACNNSSN
 25025431.m KEDRIDVQQLACDPYLIPHIRKSVSTSSPAGAAIASTSGAACNNSSN
 TLK2 KEDRIDVQQLACDPYLIPHIRKSVSTSSPAGAAIASTSGAACNNSSN
 27369956.m KEDRIDVQQLANDPYLIPHMRRENSSQNHMGASPTPSSSITY
 TLK1 KEDRIDVQQLANDPYLIPHMRRENSSQNHMGASPTPSSSITY
 C07A9.3.AA KEDRADVEELAKHELFPRGAIIRASVAGSVSSPSIIRSPSVNREDDNM
 113r_E LTKFGNLKNGVNDIKNHKFAT-TDWIAIYORKVSEAPFI-KFKGPDTSNFDDYEEEBIRVXINEKCGKEFTEF
 ninaC.AA LQNMARNEGDNSEDPFPNFKAHLRKTNYPRGEETNTPFNNRKGSDSGDQRTFQPKRDPGRYYQDDECYNSSSCNYGVSRKGQQQRAPTLRQSPASVGRSFEDSNARSFEAGSYVEEEIAPGITLGYAVDIFNDRPTMS-DVQHORVIGGOR-NFAAIAKKEEELLINNSRSARRTSRRKGSNKKSAIPNGVLTVPVRAGEIKH
 kin-28.AA VDYLDWMLITMTIN-ETTEGSQEFNDQFFSERSTASGPVSPMESFCKKRHRPLSAPVNLSEPOHTCDDYPSNFSEPEPDNHLYCNDNMLKNHIIITPETSQRIPSNNNSMKPEF